

腸内フローラと膵・胆道癌

小井戸薫雄

東京慈恵会医科大学附属柏病院 消化器・肝臓内科

略歴：

1961年 東京生まれ。1987年 東京慈恵会医科大学卒業。1993年 東京慈恵会医科大学大学院卒業。1998年 Harvard Medical School, Dana-Farber Cancer Institute Research Fellow。2019年 東京慈恵会医科大学 消化器・肝臓内科 教授。2012年 東京慈恵会医科大学 消化器・肝臓内科 非常勤講師。おもな研究テーマ：膵臓癌患者に対するワクチン療法の開発（WT1樹状細胞ワクチン・ペプチドワクチン）

要約：

ヒトの腸内には約 1000 種類以上、40 兆個以上の腸内細菌が存在すると推定されている。近年、次世代シーケンサーによる遺伝子解析の迅速化が可能となった。その結果、メタゲノム解析にて、腸内細菌叢（gut microbiota）の解析が多数報告されている。すなわち、消化器疾患、代謝疾患、神経疾患、アレルギー性疾患、動脈硬化などのさまざまな疾患において、腸内細菌叢構成が健常人と比較し異なっている（dysbiosis）ことが報告されている。われわれも、大腸腺腫、早期大腸癌、肝硬変、過敏性腸症候群、炎症性腸疾患と腸内細菌叢との関連性を報告してきた。

膵・胆道癌は予後不良の癌であり、その発育・進展機序の解明や新規バイオマーカーの開発は急務である。近年、膵・胆道疾患でも細菌叢の解析が蓄積されてきている。ヒト膵臓癌やその前癌病変である IPMN（膵管内乳頭粘液腫瘍（Intraductal Papillary Mucinous Neoplasm）および胆道癌の腸内、口腔内、および組織内の細菌叢との関係性についての報告が増加している。本シンポジウムでは膵・胆道癌と関連する細菌叢について報告する。

Intestinal flora and pancreatic and biliary tract cancers

Shigeo Koido

Division of Gastroenterology and Hepatology, Department of Internal Medicine,
The Jikei University School of Medicine, Kashiwa Hospital, Japan

Brief curriculum vitae:

Born in Tokyo in 1961. Graduate from The Jikei University School of Medicine in 1987 and the doctoral course at The Jikei University School of Medicine in 1993. Research Fellow at Harvard Medical School, Dana-Farber Cancer Institute in 1998. Professor, division of Gastroenterology and Hepatology, The Jikei University School of Medicine in 2019. Part-time lecturer, division of Gastroenterology and Hepatology, The Jikei University School of Medicine in 2022. Major field of research: Cancer vaccines for pancreatic cancer patients (WT1-dendritic cell or -peptide vaccines).

Abstract :

It has been estimated that there are more than 1000 types and more than 40 trillion intestinal bacteria in the human intestine. In recent years, it has become possible to easily analyze genes using a next-generation sequencer. As a result, the study of the intestinal flora (gut microbiota) by metagenomic analysis have been reported. That is, it has been reported that the composition of the intestinal flora is different from that of healthy subjects (dysbiosis) in various diseases such as digestive diseases, metabolic diseases, neurological diseases, allergic diseases, and arteriosclerosis. We have also reported the association between colorectal adenoma, early colorectal cancer, liver cirrhosis, irritable bowel syndrome, inflammatory bowel disease and the intestinal flora.

Pancreatic and biliary tract cancers are one of the most aggressive human tumors. Therefore, it is an urgent needed to analyze the growth and progression mechanism and develop new biomarkers associated with the prognosis. In recent years, analysis of bacterial flora has been accumulated in pancreatic and biliary tract diseases. There has been an increasing number of reports on the relationship between intestinal, oral, and tissue bacterial flora and human pancreatic cancer and its precancerous lesions, IPMN (Intraductal Papillary Mucinous Neoplasm) and biliary tract cancer. In this symposium, we report the bacterial flora associated with pancreatic and biliary tract cancers.